

van **Hartwig Medical Foundation**
Laboratory and IT, KvK nr 63052725

Deze bijlage is geldig van: **17-02-2021** tot **01-01-2022**

Vervangt bijlage d.d.: **14-10-2020**

Locatie(s) waar activiteiten onder accreditatie worden uitgevoerd

Hoofdkantoor

Science Park 408
1098 XH
Amsterdam
Nederland

Locatie	Afkorting
Science Park 408 1098 XH Amsterdam Nederland	A

Nr.	Materiaal of product	Verrichting / Onderzoeksmethode ¹	Intern referentienummer	Locatie
-----	----------------------	--	-------------------------	---------

Voorbehandelingsmethoden

a.	Bloed/weefsel	Het isoleren van DNA t.b.v. samplmateriaal voor Whole Genome Sequencing (WGS); DNA-isolatie	HMF-SOP-005, HMF-SOP-010, HMF-SOP-017, HMF-SOP-027 protocol producent*	A
b.	DNA	Het omzetten van geïsoleerd DNA naar WGS compatibele samples t.b.v. next generation sequencing (NGS); library preparation	HMF-SOP-005, HMF-SOP-006, HMF-SOP-013, HMF-SOP-041 protocol producent*	

Moleculaire analyses

1.	DNA	Het aflezen van de nucleotidevolgorde voor het gehele genoom tot en met genereren ruwe fastQ data files; NGS	HMF-SOP-040 protocol producent*	A
----	-----	--	---------------------------------	---

Deze bijlage is goedgekeurd door het bestuur van de Raad voor Accreditatie, namens deze,

mr. J.A.W.M. de Haas

¹ Indien wordt verwezen naar een codering beginnende met NAW, NAP, EA of IAF dan betreft het een schema opgenomen in de [RvA-BR010 lijst](#).

Indien geen datum of versienummer is vermeld betreft de accreditatie de actuele versie van het document of schema.

* Protocol producent: een actuele lijst van protocol-producent-gegevens is opvraagbaar bij de instelling.

Bijlage bij accreditieverklaring (scope van accreditatie)
Normatief document: EN ISO/IEC 17025:2017
Registratienummer: **L 633**

van **Hartwig Medical Foundation**
Laboratory and IT, KvK nr 63052725

Deze bijlage is geldig van: **17-02-2021** tot **01-01-2022**

Vervangt bijlage d.d.: **14-10-2020**

Nr.	Materiaal of product	Verrichting / Onderzoeksmethode ¹	Intern referentienummer	Locatie
2.	WGS-data	Het identificeren van genetische variatie in WGS-data d.m.v. vergelijking met referentie genoomdata en/of tumor-normaalvergelijking; bioinformatische data analyse	HMF-SOP-025, HMF-SOP-026, HMF-SOP-030 eigen methode	A